

GENETIQUE MOLECULAIRE (sang total EDTA 2x5ml ou moelle EDTA 2ml)

SYNDROMES MYELOPROLIFERATIFS : SMP

LMC

- Recherche du transcrite BCR-ABL au diagnostic
- Quantification du transcrite M- BCR-ABL (p210) au suivi
- Quantification du transcrite m- BCR-ABL (p190) au suivi
- Quantification d'un transcrite rare de BCR-ABL*
.b2a3 .b3a3 .e19a2 .e6a2 .e8a2
- Mutations du domaine tyrosine kinase d'ABL1*

Syndrome myéloprolifératif NON-LMC

- Bilan mutationnel SMP: JAK2 V617F
 - Si négatif faire CALR / MPL / JAK2 exon12

Recherche isolée

- JAK2 V617 F
- JAK2 exon 12
- CALR
- MPL
- Transcrit FIP1L1-PDGFR
- c-KIT D816V*

LEUCEMIES AIGÜES MYELOÏDES : LAM

Au diagnostic

Bilan moléculaire LAM :

- FLT3-ITD, FLT3-TKD, NPM1, CEBPA, WT1

Autres mutations :

- IDH1*
- IDH2*
- TP53

Transcrits :

- AML1-ETO / t(8;21)
- CBF β -MYH11 / inv(16)
- PML-RARA / t(15;17)

Suivi de la maladie résiduelle

- AML1-ETO
- CBF β -MYH11
- PML-RARA
- Mutation NPM1* : .type A .type B .type D

SYNDROME LYMPHOPROLIFERATIF : SLP

- Clonalité B (réarrangements des Ig)
- Clonalité T (réarrangements du TCR)
- Statut mutationnel des IGHV dans les LLC*
- Hyperexpression de la cycline D1 [t(11;14)]
- TP53
- MYD88 L265P
- BRAF V600E*

LEUCEMIE AIGÛE LYMPHOBLASTIQUE : LAL

- Recherche du transcrite BCR-ABL au diagnostic
- Quantification du transcrite M- BCR-ABL (p210) au suivi
- Quantification du transcrite m- BCR-ABL (p190) au suivi
- Clonalité B (réarrangements des Ig)
- Clonalité T (réarrangements du TCR)

AUTRE DEMANDE (sang total EDTA 2x5ml ou moelle EDTA 2ml)

- Extraction ADN pour conservation
- Extraction ARN pour conservation
- Autre à préciser :

* Examens effectués en collaboration avec un centre de référence hospitalier