



# GÉNÉTIQUE MOLÉCULAIRE

## ONCO- HÉMATOLOGIQUE

PRÉLÈVEMENT	
<input type="checkbox"/> Sang total EDTA (2x5 ml) <input type="checkbox"/> Moelle EDTA (1 à 2 ml) <input type="checkbox"/> Ganglion <input type="checkbox"/> Autre, précisez.....  Date de prélèvement <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/> Heure de prélèvement <input type="text"/> h <input type="text"/> min	N°Client : C <input type="text"/> / <input type="text"/>  <div style="text-align: right;">Cachet Laboratoire Préleveur</div>
PATIENT(E)	PRESCRIPTEUR
NOM ..... PRÉNOM ..... Nom de naissance ..... Adresse ..... CP ..... Ville ..... Date de naissance : <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/> Sexe	NOM ..... PRÉNOM ..... Adresse ..... CP ..... Ville ..... Tél. <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/> Fax <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/> Adresse e-mail : ..... <b>Signature</b>
TEST DEMANDÉ	
SYNDROMES MYÉLOPROLIFÉRATIFS : SMP	
<div style="border: 1px solid #0056b3; padding: 2px; margin-bottom: 5px;"><b>LEUCÉMIE MYÉLOÏDE CHRONIQUE (LMC)</b></div> <b>Diagnostic :</b> <input type="checkbox"/> Recherche du transcrit BCR-ABL  <b>Suivi de la maladie résiduelle</b> <i>(le type de transcrit est obligatoire sauf si la quantification antérieure a été réalisée au Cerba) :</i>  Type de transcrit : <input type="checkbox"/> M-BCR-ABL (p210) <input type="checkbox"/> m-BCR-ABL (p190) <input type="checkbox"/> rare* : b2a3 b3a3 e19a2 e6a2 e8a2  Arrêt du traitement <input type="checkbox"/> NON <input type="checkbox"/> OUI <input type="checkbox"/> Non précisé  <input type="checkbox"/> Quantification isolée <input type="checkbox"/> Quantification + recherche de mutations du domaine tyrosine kinase d'ABL1* (résistance ITK)	<div style="border: 1px solid #0056b3; padding: 2px; margin-bottom: 5px;"><b>SYNDROME MYÉLOPROLIFÉRATIF NON-LMC</b></div> <input type="checkbox"/> Bilan SMP : JAK2 V617F et exon12 / CALR / MPL  <b>Recherche isolée :</b> <input type="checkbox"/> JAK2 V617 F (recherche de 1 <sup>ère</sup> intention) <input type="checkbox"/> JAK2 – Mutations de l'exon 12 <input type="checkbox"/> CALR <input type="checkbox"/> Transcrit FIP1L1-PDGFR <input type="checkbox"/> MPL  <i>NB : La recherche de mutations du gène c-kit n'est plus réalisée isolément mais au décours du panel NGS SMP (cf ci-après)</i>
LEUCÉMIES AIGUËS MYÉLOÏDES : LAM	
<b>Diagnostic :</b> Bilan moléculaire LAM : <input type="checkbox"/> FLT3 (ITD/TKD), NPM1, CEBPA, IDH1, IDH2  <b>Recherche isolée :</b> <input type="checkbox"/> FLT3 (ITD/TKD) <input type="checkbox"/> IDH1 <input type="checkbox"/> IDH2 <input type="checkbox"/> TP53	<b>Suivi de la maladie résiduelle :</b> <input type="checkbox"/> AML1-ETO <input type="checkbox"/> CBFβ-MYH11 types A / D / E <input type="checkbox"/> PML-RARA type : <input type="checkbox"/> bcr 1 <input type="checkbox"/> bcr 2 <input type="checkbox"/> bcr 3 <input type="checkbox"/> Mutation NPM1* : <input type="checkbox"/> Type A <input type="checkbox"/> Type B <input type="checkbox"/> Type D
LEUCÉMIES AIGUËS LYMPHOBLASTIQUES : LAL	
<b>Diagnostic :</b> <input type="checkbox"/> Recherche du transcrit BCR-ABL	<b>Suivi de la maladie résiduelle :</b> <input type="checkbox"/> Transcrit M-BCR-ABL (p210) <input type="checkbox"/> Transcrit m-BCR-ABL (p190)

\* Examens effectués en collaboration avec un laboratoire de biologie médicale de référence (LBMR)

GÉNÉTIQUE MOLÉCULAIRE  
ONCO- HÉMATOLOGIQUE

## SYNDROMES LYMPHOPROLIFÉRATIFS : SLP

- 
- Statut mutationnel des IGHV
- 
- 
- LLC
- 
- LNH-B non LLC

Joindre impérativement le résultat d'immunophénotypage lymphocytaire

- 
- MYD88 L265P

NB : La recherche conjointe de mutations MYD88 et CXCR4 peut être réalisée au décours du panel NGS lymphoïde (cf ci-après)

- 
- Hyperexpression de la cycline D1
- 
- 
- TP53, recherche de mutations

- 
- Clonalité B (réarrangements des Ig)
- 
- 
- Clonalité T (réarrangements du TCR)
- 
- 
- BRAF V600E

## ÉTUDE DES HÉMOPATHIES PAR SÉQUENÇAGE À HAUT DÉBIT NGS

- 
- Panel NGS SMP (15 gènes)

ASXL1, CALR, cCBL, CSF3R, EZH2, JAK2, KIT, MPL, PHF6, SETBP1, SF3B1, SH2B3, TET2, TP53, ZRSR2.

- 
- Panel NGS SMD (31 gènes)

ASXL1, BCOR, BCORL1, BRAF, cCBL, CSF3R, CSNK1A1, DNMT3A, EZH2, GATA1, GATA2, GNAS, IDH1, IDH2, JAK2, KRAS, MPL, NPM1, NRAS, PHF6, RAD21, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1/U2AF35, WT1, ZRSR2.

- 
- Panel NGS LAM (34 gènes)

ASXL1, BCOR, BCORL1, BRAF, cCBL, CEBPA, CSF3R, DNMT3A, ETV6, FLT3, GATA1, GATA2, IDH1, IDH2, JAK2, KDM6A, KIT, KRAS, NPM1, NRAS, PHF6, PTEN, PTPN11, RAD21, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1/U2AF35, WT1, ZRSR2.

- 
- Panel NGS myéloïde complet LAM/SMD/LMMC/SMP (40 gènes)

ASXL1, BCOR, BCORL1, BRAF, CALR, cCBL, CEBPA, CSF3R, CSNK1A1, DNMT3A, ETV6, EZH2, FLT3, GATA1, GATA2, GNAS, IDH1, IDH2, JAK2, KDM6A, KIT, KRAS, MPL, NPM1, NRAS, PHF6, PTEN, PTPN11, RAD21, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1/U2AF35, WT1, ZRSR2.

- 
- Panel NGS Lymphoïde Mature (10 gènes)

ATM, BIRC3, BRAF, CXCR4, MYD88, NOTCH1, PTEN, SF3B1, TP53, XPO1. (Merci de préciser le statut cytogénétique d'ATM si non réalisé au laboratoire cerba :.....)

## AUTRE DEMANDE

- 
- Extraction ADN pour conservation
- 
- Extraction ARN pour conservation
- 
- Autre, précisez : .....

\* Examens effectués en collaboration avec un laboratoire de biologie médicale de référence (LBMR)